

SATURNIIDAE DE INTERÉS BIOTECNOLÓGICO: ESTANDARIZACIÓN MOLECULAR DE EXTRACCIÓN DE ADN MITOCONDRIAL

ZALAZAR, Cintia B.^{a, b}; DIAZ, Gabriela V.^{a, c}; WALLANTUS, Horacio L.^b; ZAPATA, Pedro D.^{a, c}

a) Universidad Nacional de Misiones. Facultad de Ciencias Exactas Químicas y Naturales. Instituto de Biotecnología Misiones "Dra. María Ebe Reca". Laboratorio de Biotecnología Molecular. b) Centro de Investigaciones Entomológicas. Parque Tecnológico de Misiones. c) CONICET, Buenos Aires, Argentina
Email: cintia.zalazar05@gmail.com

EL PROBLEMA

Los lepidópteros de la familia Saturniidae producen seda rica en fibroína y sericina, proteínas con alto potencial en biomateriales y biomedicina.

Existe una necesidad de identificar correctamente estas especies nativas para su aprovechamiento sustentable, pero se requiere material genético de calidad para estudios de DNA barcoding (gen COI) que complementen las técnicas clásicas.



Fig19a: *Rothschildia jacobaeae* (Walker 1855) ♂



Fig19b: *Rothschildia lutea* (Jordan 1911) ♀



Fig19d: *Rothschildia arethusa* (Walker 1855) ♀



Fig19c: *Rothschildia aurota* (Cramer 1755) ♀

LA SOLUCIÓN

Se estandarizó un protocolo de extracción de ADN mitocondrial (modificaciones Doyle & Doyle 1990) y PCR del gen COI con cebadores universales (LEP-F1 / LEP-R1).



IMPORTANCIA Y PROYECCIÓN

Aporta información molecular de referencia esencial para estudios taxonómicos y filogenéticos de la biodiversidad autóctona. Sienta las bases para la conservación de las poblaciones de Saturniidae en Misiones.



Permite avanzar hacia el aprovechamiento de biomoléculas de la seda de *Rothschildia*:

ESCANEA PARA VER EL TRABAJO COMPLETO

